

Penyejajaran lokal barisan DNA dengan menggunakan metode smith waterman

Ilham Candra Budiman, author

Deskripsi Lengkap: <https://lib.ui.ac.id/detail?id=20181961&lokasi=lokal>

Abstrak

Penyejajaran antar barisan DNA digunakan untuk melihat tingkat kemiripan dari barisan DNA tersebut. Sebagian besar metode dalam penyejajaran barisan menggunakan pendekatan program dinamik. Salah satu metode yang sering digunakan adalah metode Needleman-Wunsch. Pada metode Needleman-Wunsch semua karakter pada barisan-barisan tersebut disejajarkan sehingga dapat terlihat kemiripan dari barisan-barisan DNA tersebut.

Metode yang digunakan dalam tugas akhir ini tidak menyejajarkan seluruh karakter dari barisan-barisan DNA. Metode ini hanya menyejajarkan pasangan segmen dari dua barisan DNA. Hasil dari metode ini adalah pasangan segmen dari dua barisan DNA yang memiliki kemiripan paling besar.