

Analisis Sekuens Untranslated Region (UTR) Virus Dengue serotipe 2 (DENV-2) Indonesia sebagai dasar target terapi antiviral dan analisis filogenetik = Analysis of the untranslated region (UTR) sequence of dengue virus 2 (DENV- 2) in indonesia as the basis of antiviral target and phylogenetic analysis / Edwin Wijaya

Edwin Wijaya, author

Deskripsi Lengkap: <https://lib.ui.ac.id/detail?id=20411207&lokasi=lokal>

Abstrak

ABSTRACT

Indonesia adalah salah satu negara yang masih mengalami masalah dengan infeksi virus dengue (DENV). Hingga kini, belum ditemukan antiviral spesifik untuk DENV. Ada beberapa potensi antiviral, salah satunya adalah intervensi pada sekuens untranslated region (UTR) menggunakan small-interfering RNA (siRNA). Penelitian mengenai UTR ini masih relatif terbatas. Pada penelitian ini, dilakukan analisis filogenetik dan homologi pada sekuens UTR DENV-2 dengan data dari Mikrobiologi Fakultas Kedokteran Universitas Indonesia dan GenBank. Analisis filogenetik dengan Genetyx 5.1 menunjukkan bahwa ada perbedaan persebaran genotipe berbasis envelope dan UTR. Selain itu, terdapat beberapa area yang sangat highly conserved pada 5'UTR maupun 3'UTR yang berpotensi menjadi target intervensi.

<hr>

ABSTRACT

Infection of dengue is a major problem in Indonesia as there are no specific antiviral has been successfully developed. There are several promising candidates such as intervention of the untranslated region (UTR) sequence through small-interfering RNA (siRNA). The research for this field is still limited. In this research, the DENV-2's UTR sequence data from Microbiology Department, Faculty of Medicine Universitas Indonesia and GenBank are analyzed using Genetyx 5.1 It is found through phylogenetic analysis that there are differences in genotype dissemination based on envelope and UTR. Moreover, there are several highly conserved ar