

## Genetic Diversity of Indonesian Bacterial Leaf Blight Isolate (*Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae*) Core Collection based on the VNTR and *avrXa7* Molecular Markers

Deskripsi Lengkap: <https://lib.ui.ac.id/detail?id=20426489&lokasi=lokal>

---

### Abstrak

Keragaman Genetik Core Collection Isolat Bacterial Leaf Blight (*Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae*) Indonesia berdasarkan Marka Molekular VNTR dan *avrXa7*. Bacterial leaf blight (BLB) adalah salah satu penyakit utama padi yang disebabkan oleh bakteri pathogen *Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae*. Penelitian ini bertujuan untuk mengidentifikasi dan menganalisis keragaman genetik 18 isolat isolates yang terdiri dari 7 ras dan 11 haplotipe yang berasal dari beberapa lokasi koleksi di Indonesia. Analisis keragaman genetik dilakukan menggunakan marka VNTR (Variable Number of Tandem Repeat) dan marka gen *avrxa7*. Pola pita DNA hasil amplifikasi digunakan sebagai data input biner untuk membuat dendogram keragaman. Berdasarkan dendogram tersebut, terdapat tiga kelompok genotipe *X. oryzae* pv. *oryzae* dengan tingkat virulensi yang berbeda. Ras VII (IXO80\_021) yang termasuk dalam kelompok I dan Ras VIII-A (IXO 80\_024) yang termasuk dalam kelompok II merupakan ras BLB yang tidak virulen. Sedangkan kelompok III merupakan kelompok ras dan haplotipe yang bersifat virulen.

<hr>

Bacterial leaf blight (BLB) is one of the major diseases in rice caused by *Xanthomonas oryzae* pv. *oryzae*. This study aimed to identify and analyze the genetic diversity of 18 BLB isolates that consist of 7 races and 11 haplotypes from various locations in Indonesia. The genetic diversity analysis was conducted on the basis of the VNTR (Variable Number of Tandem Repeat) markers and the *avrxa7* gene marker. The banding pattern of the amplification product was made into binary data as input for the construction of a dendogram. Based on the dendogram, three *X. oryzae* pv. *oryzae* genotype groups with different virulence levels were formed. The VII (IXO80\_021) race of *X. oryzae* pv. *oryzae* genotype group I and the VIII-A (IXO 80\_024) race of genotype group II were avirulent, whereas the races and haplotypes of genotype group III were virulent.