

# Hubungan sub tipe imunofenotipik berdasarkan ekspresi cd56 dan cd16 dengan ekspresi cd30 dan ki-67 pada limfoma sel nk/t ekstranodal tipe nasal. = The Correlation between immunophenotypic subtypes based on cd56 and cd16 expression with cd30 and ki 67 expression in extranodal nk t cell lymphoma nasal type

Stephanie Marisca, author

Deskripsi Lengkap: <https://lib.ui.ac.id/detail?id=20435189&lokasi=lokal>

---

## Abstrak

### <b>ABSTRAK</b><br>

Latar belakang: Limfoma sel NK/T ekstranodal tipe nasal (NKTCL; extranodal NK/T-cell lymphoma, nasal type) dapat dikategorikan menjadi beberapa sub tipe berdasarkan ekspresi CD56 dan CD16 sesuai dengan pola perkembangan fenotip sel natural killer (NK) normal. Ekspresi CD56 banyak ditemukan pada tahap diferensiasi sel NK yang lebih awal, sedangkan ekspresi CD16 terdapat pada sel NK dengan diferensiasi yang lebih mature. Selain fenotip normal, adanya infeksi virus Epstein-Barr (EBV) sebagai etiologi NKTCL berkaitan dengan fenotip teraktivasi yang ditandai dengan ekspresi CD30 kemudian mengaktifkan jalur sinyal nuclear factor kappa beta (Nf-KB) sehingga dapat menyebabkan pertumbuhan dan proliferasi sel tumor. Pada penelitian ini diteliti hubungan antara sub tipe NKTCL berdasarkan ekspresi CD56 dan CD16 dengan ekspresi CD30 serta indeks proliferasi Ki-67.

Bahan dan cara: Penelitian ini menggunakan metode potong lintang. Sampel terdiri atas 30 kasus NKTCL di Departemen Patologi Anatomi Fakultas Kedokteran Universitas Indonesia / Rumah Sakit Cipto Mangunkusumo (FKUI/RSCM) periode Januari 2010 sampai Februari 2016. Dilakukan pulasan imunohistokimia CD16, CD30 dan Ki-67, kemudian dihitung persentase positivitasnya.

Hasil: Positivitas CD56 ditemukan pada semua kasus (100%). Positivitas CD16 sebanyak 16 (53,3%) kasus, positivitas CD30 sebanyak 16 (53,3%) kasus, dan indeks proliferasi Ki-67 tinggi sebanyak 16 (53,3%) kasus. Tidak terdapat hubungan bermakna antara sub tipe NKTCL (CD56+CD16- dan CD56+CD16+) dengan ekspresi CD30 ( $p=0,732$ ). Tidak terdapat hubungan bermakna antara sub tipe NKTCL (CD56+CD16- dan CD56+CD16+) dengan indeks proliferasi Ki-67 ( $p=0,732$ ). Tidak terdapat hubungan bermakna antara ekspresi CD30 dengan indeks proliferasi Ki-67 ( $p=0,732$ ).

Kesimpulan: Sub tipe NKTCL berdasarkan ekspresi CD56 dan CD16 tidak berhubungan dengan ekspresi CD30 maupun indeks proliferasi Ki-67.

Kata kunci:

NKTCL, CD56, CD16, CD30, Ki-67.

<hr>

## <b>ABSTRACT</b><br>

Background: Extranodal NK/T-cell lymphoma, nasal type (NKTCL) can be categorized into several immunophenotypic subtypes based on CD56 and CD16 expression which apparently resemble the normal natural killer (NK) cell developmental pattern. CD56 expression mostly found in earlier stage of NK cell differentiation, while CD16 expression indicates more mature NK cell differentiation. Besides the normal NK cell phenotype, the presence of Epstein-Barr virus (EBV) infection as the etiology of NKTCL has been known to correlate with activation-related phenotype which marked by CD30 expression, thus activates nuclear factor kappa beta (Nf-KB) signaling pathway and promotes tumour cells growth and proliferation. This research examined the correlation between NKTCL subtypes based on CD56 and CD16 expression with CD30 expression and Ki-67 proliferation index.

Materials and methods: This was a cross-sectional study with 30 samples of NKTCL in Anatomical Pathology Department, Faculty of Medicine Universitas Indonesia / Cipto Mangunkusumo Hospital (FMUI/CMH) between January 2010 to February 2016 period. All cases stained by CD16, CD30, and Ki-67 immunohistochemistry and evaluated by the percentages of positivity.

Results: CD56 positivity was found in all cases (100%). CD16 positivity was found in 16 (53,3%) cases, CD30 positivity was found in 16 (53,3%) cases, and high Ki-67 proliferation index was found in 16 (53,3%) cases. There was no association of NKTCL subtypes (CD56+CD16- and CD56+CD16+) with CD30 expression ( $p=0,732$ ). There was no association of NKTCL subtypes (CD56+CD16- and CD56+CD16+) with Ki-67 proliferation index ( $p=0,732$ ).

There was also no association between CD30 expression and Ki-67 proliferation index ( $p=0,732$ ).

Conclusion: NKTCL subtypes based on CD56 and CD16 expression has no association with CD30 expression or Ki-67 proliferation index.

Key words:

NKTCL, CD56, CD16, CD30, Ki-67.